

Journal of Management Education 30(6)p.789-804

5 **SEQ ID NO:4:** Nucleic acid sequence of disease resistant gene, gene 2 (cloned by PCR). Two exons are highlighted in bold. A single intron is underlined.

- 69 -

P03170US/WARF-0204

SEQUENCE LISTING

TATTTCTGATAGAACAGGAGTATATTGTGCGAAATATCCTCTATTTTCTGTTCTCTCCTAATGAGTTTG
AATCTAATTAATATTCTCATCTGGACATTGCTTGCACCGCTTCTCTATTAACCGAACCGCAGGTTTATGG
AAGAGACAAAGAGAAAGATGAGATAGTGAATATCCTAATAAACAATGTTAGTGATGCCCAACACCTTCA
GTCTCTCCCAATACCTTGGTATGGGGGATTAGGAAAAACGACTCTTGCCCAATGGTCTTCAATGACCAGA
5 GAGTTACTGAGCATTTCATTCCAAATATGGATTGTGTCTCGGAAGATTTGATGAGAAGAGGTTAAT
AAAGGCAATTGTAGAACTATTTGAAGGAAGGCCACTACTTGGTGAGATGGACTTGGCTCCACTTCAAAAG
AAGCTTCAGGAGTTGCTGAATGGAAAAAGATACTTGTCTTAGATGATGTTTGGAAATGAAGATCAAC
AGAAGTGGGCTAATTTAAGAGCAGTCTTGAAGGTTGGAGCAAGTGGTGGCTTCTGTTCTAACCACTACTCG
TCTTGAAGAGGTTGGATCAATTTATGGGAACATTGCAACCATATGAACCTGTCAAACCTGTCTCAAGAGAT
10 TGTGTGTTGTTGTTTATGCAACGTGCATTTGGACACCAAGAAGAAATAAATCCAAACCTTGTGGCAATCG
GAAAGGAGATTGTGAAAAAAGTGGTGGTGTGCTCTAGCAGCCAAACCTCTTGGAGGATTTTGTGCTT
CAAGAGAGAAGAAAGCATGGGAACATGTGAGAGACAGTCCGATTTGGAAATTTGCTCAAGATGAAGT
TCTATTCTGCTGCCCTGAGGCTTAGTTACCATCAACTTCCACTTGATTTGAAACAATGCTTGTGCTATT
GTGCGGTGTTCCCAAAGGATGCCAAATGAAAAAGAAAGCTAATCTCTCTGATGGCGCATGGT
15 TCTTTATGCAAGAAACATGGAGCTAGAGGATGTGGCGGATGAAGTATGGAAAGAAATTAATCTTGAGG
TCTTTTTTCCAAAGAGATTGAAGTTAAGATGGTAAACTTATTTCAAGATGCATGATCTCATCCATGATT
TGGCAACATCTCTGTTTTTCCAGCAACACATCAAGCAGCAATATCCGTGAAATAAATAACACAGTTACAC
ACATATGATGCTTCCATTGGTTTTTCCGGAAGTGGTGTTTTTTACACTCTTCCCCCTTGGAAAGTTTATC
TCGTTAAGAGTGTCTAATCTAGGTGATTCGACATTAAATAAGTTACCATCTTCCATTGGAGATCTAGTAC
20 ATTTAAGTACTTGAACCTGTATGGCAGTGGCATGCGTAGTCTTCCAAAGCAGTTATGCAAGCTTCAAAA
TCTGCAAACTCTTGATCTACAATATTGCACCAAGCTTTGTGTTTGGCAAAAGAAACAAGTAAACTTGGT
AGTCTCCGAAATCTTTACTTGATGGTAGCCAGTCATTGACTTGTATGCCACCAAGGATAGGATCATTTGA
CATGCTTAAAGCTCTAGGTCAATTTGTTGTTGGAAGGAAGAGGTTATCAACTTGGTGAAGTAGGAA
CCTAAATCTCTATGGCTCAATTAATAATCTCGCATCTTGAGAGAGTGAAGAATGATATGGACGCAAAAGAA
25 GCCAATTTATCTGCAAAAGGGAATCTGCATTCTTTAAGCATGAGTTGGAATAACTTTGGACCACATATAT
ATGAATCAGAAGAGTTAAAGTGCTTGAAGCCCTCAAACCACTCCAACTTGACTTCTTTAAATAATCTA
TGGCTTCAGAGGAATCCATCTCCAGAGTGGATGAATCACTCAGTATTGAAATAATTTGTCTCTATTCTA
ATTAGCAACTTCAGAACTGCTCATGCTTACCACCTTTGGTGATCTGCCTTGTCTAGAAAGTCTAGAGT
TACACTGGGGGTCTGCGGATGTGGAGTATGTTGAAGAGTGGATATTGATGTTCAATCTGATTTCCCCAC
30 AAGATAAAGGTTTCCATCTCTGAGGAACCTTGATATATGGGACTTTGGTAGTCTGAAAGGATTGCTGAAA
AAGGAAGGAGAAGAGCAATTCCTGTGCTTGAAGAGATGATAATTCAGGAGTGGCTTTTCTGACCTTTT
CTTCTAATCTTAGGGCTCTTACTTCCCTCAGAAATTTGCTATAATAAAGTAGCTACTTCAATCCAGAGA
GATTTCTAAAGCTTGCAATCTCAAACTCTGACAATCTCTCGGTGCAATAATCTCAAAAGAGTGGCT
ACCAGCTTGGCTAGTCTGAATGCTTTGAAAAGTCTAAAAATTCAAATGTGTTGCGCACTAGAGAGTCTCC
35 CTGAGGAAGGGCTGGAAGGTTTATCTTCACTCACAGAGTATTGTTGTAACACTGTAACATGCTAAAATG
TTTACCAGAGGGATTGCAGCACCTAACAACCTCACAGTTTAAAAATTCGGGGATGTCCCAACTGATC
AAGCGGTGTGAGAAGGGAATAGGAGAAGACTGGCACAAAATTTCTCACATTCCTAATGTGAATATATATA
TTTTAAGTTATTTGCTATTGTTTCTTTGTTTGTGAGTCTTTTGGTTCCTGCCATTGTSATGTCATGTAAT
TTTTTTCTAGGGTTGTTGTTTGTGAGTCTCTCTCTCATTGGATGTAATCTCTTTTGTGTAACAAATTA
40 ACAATCTATTGTTATATACGCTTTCAGAACTCTATTACTTATTTGTAATTTGTTCTTTGTTGTAATTTG
TGAGTATCTTATGTTATGGAATTTTCTGATTTTATTTTGAACAAATCAATAAGATCCATCTGCATTAT
ACTCCCTTCGTCCTATTTTATGTGACACTTTTGGATTTCGAGATCTTTGATCTTAAATTTTTCATAGA
TCTTTTAAACATTTTGAAGTTATCAATTTATGTGATTTTAGTATTTTATGTTAGTTTACAAATACATAAA
ATTATTTTTTTTTTAAAAAAGAGATTTCATGCGCAATTCCTCATCAAACTTAAATTAAGTACTCTCG
45 AAAAATGAAAGTGTACATAAATTGAGACAGAGGGAGTACTTGTAAATGTTGTAATTTATGGCGAACAA
TAATGTTGGTGATTATCACTTTCTGAATAAATGTTGTGTCACGTGGAAAAACACCAAAATAGAAGTATT
ATGCTTTTTTAGTATATATAAATGATTTTAACTTGGTTTTCAGCGGATAGTCAAGACCTTAACTCTG
AATGTGCACAAGTAGATCTGTATATAAATTAACAAATTTTATAAATTAACAAATATGACACTGAGAG
TAATGATACCAATTGCAGTCTGTTGCTGCTTTTCGATTCTCTGTCATTCTCTAGGTAATTGATTTTACAG
50 AAAAGGGCCAAAAATATCCCTGAAGTACCAGAAAGGCTCAAAATACCAACCATCCACATTTTGGTCTA
AAAATATCCTTCTACTCATCTTTTGTCTAAAATTTACCCTTTCATCCACATTTTGTCTCACTTATACC
CTTATAACAACCTCTCTCTTTTAAAAAATTTTATTTATGTTGTCATTTCCTATTGAATGAAATAA
AAATCCACCTCTATTAATTTTCCCAATTTATCCAAATCAAAACAATATATTTTCAAGATCCAAA
AAATATATTTTTTAAATCTAGTAATTTCTATTTCTATAGCTTTTTCAAAAAATTTGGTTGTTTT
55 AGATAAATTAATATCTTTAAAGTACTAGTCAAGCAAAATATAGGGACATAATATATTAATTAATTAAT
CCTAAATATTTTATAATAATTTTATTTATAAATATATTAATATATTTATGCTCTGTAAATTTGGCAT
GACTAATATTTTAAAAATATTTAATTTATCTAAAAACAATTTTGGAAAAAGCTACAGAAAAATAGA